

La Unidad de Genotipado y Diagnóstico Genético de la Fundación Investigación Clínico de Valencia-INCLIVA busca candidatos para solicitar un contrato de investigador posdoctoral "Sara Borrell" Ayudas de la Acción estratégica de Salud del Instituto Carlos III. Los contratos se solicitarán según las indicaciones de esta convocatoria en caso de ser concedidos (BOE 2-3-2012, pag. 18268; <http://www.boe.es/boe/dias/2012/03/02/pdfs/BOE-A-2012-3035.pdf>). Las condiciones de los contratos serán según los que se indican en este mismo BOE.

Los candidatos deben cumplir los requisitos indicados en la convocatoria del (<http://www.isciii.es/ISCIII/es/contenidos/fd-investigacion/fd-financiacion/fd-convocatorias-ayudas-accion-estrategica-salud/acceso-solicitud-ayudas.shtml>):

- a) Ser español, nacional de los demás países de la Unión Europea o nacional de un país no comunitario con residencia legal en España en el momento de presentar la solicitud.
- b) Estar en posesión o haber solicitado el título de doctor. Los títulos obtenidos en centros privados o extranjeros deberán estar homologados o reconocidos oficialmente en el momento de presentar la solicitud.
- c) Haber obtenido el doctorado, entendiéndose como tal la fecha de lectura y aprobación de la tesis doctoral, en fecha posterior al 1 de enero de 2009 y anterior a la fecha de finalización del plazo de presentación de solicitudes (existen excepciones a esta fecha, ver BOE).

Además de los requerimientos generales indicados en la convocatoria el perfil que estamos buscando es:

- Doctor en biología, bioquímica, farmacia, medicina, informática, ingeniería, física, matemáticas, química, etc.
- Experiencia en técnicas de análisis informático de datos (principalmente de origen genéticos).

Se valorará positivamente la experiencia en los siguientes campos:

- Experiencia en el campo del análisis de secuenciación de nueva generación.
- Conocimiento del entorno Linux y uso de la línea de comandos, bash, perl, python u otros lenguajes de programación o scripting.
- Conocimiento de R o SPSS para análisis multivariable.
- Conocimiento de técnicas matemáticas y estadísticas para el análisis masivo de datos, así como técnicas de control de calidad y exploración de datos multidimensionales.
- Conocimientos de biología de sistemas.
- Conocimiento teórico de genética de poblaciones.
- Participación en publicaciones relacionadas

Se integrará en un proyecto de basado en el estudio del exoma mediante secuenciación de nueva generación para la identificación de variantes genéticas implicadas en el desarrollo de diabetes tipo 2. También podrá participar en otros proyectos relacionados con el estudio del exoma, transcriptoma, microRNAs y desarrollo de herramientas para el estudio de enfermedades mediante secuenciación de nueva generación en diferentes enfermedades.

Aquellas personas que puedan estar interesadas deberán enviar su CV a felipe.chaves@uv.es antes del 7 de junio de 2012.